

INTERPRETATION TABLE

DQB1 high resolution SSP typing

Amplification patterns of the DQB1*02:01 to DQB1*06:40 alleles

	Well ^{5,6}																								
	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	
Length of spec. PCR product(s)	120	85	145	140	145	165	220	135	175	135	95	125	110	135	135	260	110	130	135	130	205	205	135	120	
				195	185				220		130		140	260	250		165	190							
																	195	220							
																	300								
Length of int. pos. control ¹	515	430	515	430	430	515	515	515	515	430	430	430	430	430	430	515	430	430	515	430	515	430	430	430	
5'-primer(s) ²	5'-Aag ^{3'} 30(185)	5'-TgA ^{3'} 57(266)	5'-TgA ^{3'} 135(500)	5'-TTA ^{3'} 26(173)	5'-CgC ^{3'} 38(209)	5'-ggA ^{3'} 45(230)	5'-TTA ^{3'} 26(173)	5'-TCT ^{3'} 26(173)	5'-TCT ^{3'} 26(173)	5'-TTA ^{3'} 26(173)	5'-ggg ^{3'} 26(173)	5'-gCA ^{3'} 38(210)	5'-ggT ^{3'} 49(242)	5'-gCC ^{3'} 14(136)	5'-ggC ^{3'} 13(134)	5'-ggC ^{3'} 13(134)	5'-TTA ^{3'} 26(173)	5'-TTC ^{3'} 27(175)	5'-gCC ^{3'} 55(260)	5'-TgA ^{3'} 57(266)	5'-gCT ^{3'} 23(164)	5'-gCg ^{3'} 23(164)	5'-ggg ^{3'} 26(173)	5'-gAC ^{3'} 30(184)	
				5'-TCT ^{3'} 102(400)	5'-gCA ^{3'} 39(212)				5'-CAA ^{3'} 140(514)		5'-ACA ^{3'} 38(208)		5'-gCA ^{3'} 55(260)	5'-TgA ^{3'} 135(500)			5'-ggg ^{3'} 26(173)	5'-CgT ^{3'} 38(209)				5'-gCg ^{3'} 23(164)			
					5'-ACg ^{3'} 40(216)								5'-Agg ^{3'} 63(285)				5'-TCT ^{3'} 102(400)	5'-CAA ^{3'} 140(514)							
					5'-ACg ^{3'} 136(502)																				
3'-primer(s) ³	5'-Cgg ^{3'} 57(266)	5'-CgT ^{3'} 71(309)	5'-gAC ^{3'} 170(604)	5'-CgC ^{3'} 77(325)	5'-ACg ^{3'} 86(353)	5'-gCT ^{3'} 86(353)	5'-gCT ^{3'} 86(353)	5'-Cgg ^{3'} 57(266)	5'-gCT ^{3'} 86(353)	5'-Cgg ^{3'} 57(266)	5'-gCg ^{3'} 55(260)	5'-CTA ^{3'} 62(282)	5'-gCT ^{3'} 86(353)	5'-gCT ^{3'} 86(353)	5'-CCC ^{3'} 45(230)	5'-gCT ^{3'} 86(353)	5'-gCg ^{3'} 48(240)	5'-gCT ^{3'} 86(353)	5'-gCT ^{3'} 86(353)	5'-gCT ^{3'} 86(353)	5'-gCT ^{3'} 86(353)	5'-ACg ^{3'} 77(327)	5'-ACg ^{3'} 77(327)	5'-CAA ^{3'} 57(266)	5'-gCT ^{3'} 57(265)
			5'-ggC ^{3'} 135(500)		5'-gAC ^{3'} 170(604)				5'-CgA ^{3'} 185(650)			5'-CCC ^{3'} 70(304)		5'-CAT ^{3'} 167(596)	5'-gTg ^{3'} 83(343)		5'-ggT ^{3'} 67(296)	5'-ggA ^{3'} 87(356)							
																	5'-CgC ^{3'} 77(325)	5'-gAT ^{3'} 170(604)							

Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24

5' -CCA 3' 189(661)

Length of spec.	120	85	145	140	145	165	220	135	175	135	95	125	110	135	135	260	110	130	135	130	205	205	135	120
PCR product(s)				195	185				220		130		140	260	250		165	190						
																	195	220						
																	300							
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24
DQB1 allele ⁴																								
*02:01:01-02:01:03	1		3					8	9															
*02:02	1			4				8	9															
*02:03		2		4					9												20			
*02:04	1		3		5			8	9															
*02:05	1		3					8	9															
*03:01:01-03:01:02, 03:01:05			3			6	7									16				19	20			
*03:01:03			3			6	7									16				19				
*03:01:04			3			6	7									16				19	20			
*03:02:01-03:02:05			3					8	9											19				
*03:03:02:01-03:03:03			3						9											19	20			
*03:04			3			6	7			10						16				19				
*03:05:01, 03:05:03			3						9		11									19				
*03:05:02, 03:05:04			3						9											19				
*03:06			3						9			12								19	20			
*03:07			3					8	9				13							19				
*03:08			3					8	9			12								19				
*03:09			3			6	7							14		16				19	20			
*03:10			3				7								15	16				19	20			
*03:11			3					8	9					14						19				
*03:12			3						9						15	16				19	20			
*03:13			3			6	7		?							16	17			19	20			
*03:14			3				7		?	10					15	16				19				
*03:15			3						9				13							19	20			
*03:16			3			6	7		?				13		16						20			
*03:17			3						?	11										19	20			
*03:18			3					8	9											18	19			
*03:19			3			6	7		9							16				19	20			
*03:20			3						9	11										19	20			
*03:21			3			6	7									16				19	20			
*03:22			3			6	7									16				19	20			
*03:23			3						9												20			
*03:24						6	7									16				18	19	20		
*03:25			3						9		12													
*03:26			3						9					14						19	20			
*03:27			3			6	7								15	16				19	20			
*03:28			3	4		6	7									16	17			19	20			
*03:29			3			6	7									16				19	20			
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24

Length of spec.	120	85	145	140	145	165	220	135	175	135	95	125	110	135	135	260	110	130	135	130	205	205	135	120
PCR product(s)				195	185				220		130		140	260	250		165	190						
																	195	220						
																	300							
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24
*03:30			3						9										19	20				
*03:31			3						9										19	20				
*04:01:01-04:01:02			3						9												21			
*04:02:01-04:02:02			3						9													22		
*04:03:01			3						9													22		
*04:03:02			3						9															
*04:04			3						9													22		
*04:05			3						9												21			
*04:06			3						9												21			
*05:01:01:01-05:01:03			3																				23	
*05:02:01, 05:02:03			3																					24
*05:02:02			3																					24
*05:03:01:01-05:03:03			3																					
*05:04			3																					
*05:05			3		5																			24
*05:06			3		5																			
*05:07			3		5																			23
*05:08			3																					
*06:01:01-06:01:06			3												15									
*06:02:01			3																					
*06:02:02			3									12												
*06:03:01			3																					
*06:03:02			3									12												
*06:04:01, 06:04:03			3																					
*06:04:02			3																					
*06:05:01			3																					
*06:05:02			3																					
*06:06			3																					
*06:07:01			3																					
*06:07:02			3																					
*06:08:01			3																					
*06:08:02			3																					
*06:09			3																					
*06:10			3																					
*06:11:01			3																					
*06:11:02			3																					
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24
Length of spec.	120	85	145	140	145	165	220	135	175	135	95	125	110	135	135	260	110	130	135	130	205	205	135	120
PCR product(s)				195	185				220		130		140	260	250		165	190						
																	195	220						
																	300							

																		300								
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24		
*06:12			3																							
*06:13			3																							
*06:14:01			3																							
*06:14:02			3																							
*06:15			3																							
*06:16			3																							
*06:17			3																							
*06:18			3																							
*06:19			3																							
*06:20			3																							
*06:21			3																							
*06:22			3																							
*06:23			3														17									
*06:24			3																							
*06:25			3																							
*06:26N			3																							
*06:27			3																							
*06:28			3															w								
*06:29			3					8																		
*06:30			3																							
*06:31			3																							
*06:32			3																							
*06:33, 06:37 ⁷			3																							
*06:34			3														17									
*06:35			3																							
*06:36			3																							
*06:38																										
*06:39			3																							
*06:40			3																							
DQB1 allele ⁴																										
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24		

INTERPRETATION TABLE

DQB1 high resolution SSP typing

Amplification patterns of the DQB1*02:01 to DQB1*06:40 alleles

Well ^{5,6}																									
25	26	27	28	29	30	31	32	33	34	35	36	37	38	39	40	41	42	43	44	45	46	47	48		Length of spec. PCR product(s)
95	115	210	185	130	160	170	210	170	95	160	210	180	100	180	95	185	110	110	160	130	160	155			
					245					130	250		130	185			135	155				210			
																		195	185						
																			215						
																			250						
515	430	430	430	430	430	515	515	430	430	515	430	430	430	430	430	430	515	515	430	515	515	430			
30(184)	130(485)	30(184)	9(122)	27(177)	9(122)	27(177)	30(184)	27(177)	27(177)	14(136)	30(184)	27(177)	9(122)	9(122)	31(187)	26(173)	26(173)	11(129)	9(122)	57(266)	30(184)	9(122)			
5'-gAC ^{3'}	5'-CCg ^{3'}	5'-gAT ^{3'}	5'-gTT ^{3'}	5'-gTA ^{3'}	5'-gTA ^{3'}	5'-gTA ^{3'}	5'-gAC ^{3'}	5'-gTA ^{3'}	5'-gTA ^{3'}	5'-gCC ^{3'}	5'-gAT ^{3'}	5'-gTA ^{3'}	5'-gTT ^{3'}	5'-gTT ^{3'}	5'-ACg ^{3'}	5'-TCT ^{3'}	5'-TCT ^{3'}	5'-TTA ^{3'}	5'-gTT ^{3'}	5'-TgA ^{3'}	5'-gAC ^{3'}	5'-gTT ^{3'}			
		30(184)							39(212)	45(230)		140(514)	30(184)	140(514)	133(493)	130(485)	55(259)	29(181)		154(558)		9(122)			
		5'-gAT ^{3'}							5'-gCA ^{3'}	5'-gGA ^{3'}		5'-CAA ^{3'}	5'-gAT ^{3'}	5'-CAA ^{3'}	5'-TTT ^{3'}	5'-CCA ^{3'}	5'-ggT ^{3'}	5'-CCT ^{3'}		5'-ACT ^{3'}		9(122)			
										5'-TgA ^{3'}			5'-TgA ^{3'}			5'-TCA ^{3'}		5'-gTg ^{3'}				9(122)			
																		62(282)							
5'-CgA ^{3'}	5'-AAA ^{3'}	5'-ACg ^{3'}	5'-CAT ^{3'}	5'-CAT ^{3'}	5'-gCg ^{3'}	5'-CCC ^{3'}	5'-ACC ^{3'}	5'-CCT ^{3'}	5'-CAA ^{3'}	5'-gTg ^{3'}	5'-ACC ^{3'}	5'-CgG ^{3'}	5'-gTT ^{3'}	5'-gCg ^{3'}	5'-gCg ^{3'}	5'-ggC ^{3'}	5'-gCT ^{3'}	5'-CCg ^{3'}	5'-gCg ^{3'}	5'-ACC ^{3'}	5'-CCC ^{3'}	5'-CgA ^{3'}			
47(237)	154(558)	86(353)	57(266)	57(266)	48(240)	70(304)	86(353)	70(304)	57(266)	83(343)	86(353)	74(317)	27(177)	55(260)	48(240)	71(307)	57(265)	77(326)	48(240)	86(353)	70(304)	47(237)			
					77(327)					86(353)		185(650)	30(184)	55(260)	170(604)	185(650)	77(327)	86(353)		186(653)	86(353)				
87(356)													57(265)	57(266)											
5'-ggA ^{3'}													5'-gCT ^{3'}	5'-CAA ^{3'}											

Neg. Control

3'-primer(s)³

95	115	210	185	130	160	170	210	170	95	160	210	180	100	180	95	185	110	110	160	130	160	155	Neg. Control	Length of spec. PCR product(s)	
				245					130	250			130		150	205	135	155			210				
													185				195	185							
																		215							
																		250							
25	26	27	28	29	30	31	32	33	34	35	36	37	38	39	40	41	42	43	44	45	46	47	48	Well No.	
																									DQB1 allele ⁴
																									*02:01:01-02:01:03
																									*02:02
																									*02:03
																									*02:04
																		43							*02:05
												37													*03:01:01-03:01:02, 03:01:05
												37													*03:01:03
												37	38												*03:01:04
																									*03:02:01-03:02:05
																									*03:03:02:01-03:03:03
												37													*03:04
																									*03:05:01, 03:05:03
																									*03:05:02, 03:05:04
					30							?					42								*03:06
												?													*03:07
												?													*03:08
												37													*03:09
												37													*03:10
												?													*03:11
												?													*03:12
												?													*03:13
												?													*03:14
												?													*03:15
												?													*03:16
												?													*03:17
												?													*03:18
												?													*03:19
												?													*03:20
												37			40										*03:21
												37				41									*03:22
					30							?													*03:23
												37													*03:24
					30							?						42							*03:25
												?													*03:26
											35	37													*03:27
												37													*03:28
												37	39												*03:29
25	26	27	28	29	30	31	32	33	34	35	36	37	38	39	40	41	42	43	44	45	46	47	48	Well No.	

																									215				Neg.	
																									250					
25	26	27	28	29	30	31	32	33	34	35	36	37	38	39	40	41	42	43	44	45	46	47	48	Well No.						
						31			34		36																			
	?	27												39					44						*06:12					
	?		28	29		31								38					44		46			*06:13						
	?		28											38					44		46			*06:14:01						
	?		28																44		46			*06:14:02						
	?		28								36								44		45			*06:15						
	?	27	28											39					44					*06:16						
	?						32		34							41								*06:17						
	?	27						33	34															*06:18						
	?	27	28																				47	*06:19						
	?	27	28								35								44					*06:20						
	?					31	32		34													46		*06:21						
	?										36			39										*06:22						
	?		28																44					*06:23						
	?	27	28													41			44					*06:24						
	?						32	33									42							*06:25						
	?			29	30	31													43					*06:26N						
	?							33	34													46		*06:27						
	?			29	30	31																46		*06:28						
	?	27												39					44					*06:29						
	?			29	30											41						46		*06:30						
	?			29	30	31				35												46		*06:31						
	?			29	30			33														46		*06:32						
	?	27	28																43	44				*06:33, 06:37 ⁷						
							32	33	34															*06:34						
	?	27								35														*06:35						
							32	33	34												45			*06:36						
							32	33	34							41								*06:38						
	26						32	33	34															*06:39						
	?			29	30	31									40							46		*06:40						
																								DQB1 allele ⁴						
25	26	27	28	29	30	31	32	33	34	35	36	37	38	39	40	41	42	43	44	45	46	47	48	Well No.						